

**Supporting Information Table 1.** Uncorrected pairwise distances (p-distance) for 12S, 16S and *cytb* sequence data.

	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
1. UMMZ 190478												
2. UTA 38889	0.2271											
3. NMK A/4008	0.2103	0.1977										
4. NMK A/3112	0.2171	0.2007	0.0184									
5. NMK A/3111/3	0.2125	0.1962	0.0118	0.0066								
6. NMK A/3112/1	0.2133	0.1969	0.0125	0.0074	0.0007							
7. NMK A/3111/1	0.2140	0.1977	0.0140	0.0088	0.0022	0.0029						
8. JM 228	0.2125	0.1969	0.0125	0.0074	0.0007	0.0015	0.0029					
9. JM 849	0.2125	0.1962	0.0118	0.0066	0.0000	0.0007	0.0022	0.0007				
10. NMK A/4294	0.2103	0.2042	0.0801	0.0853	0.0794	0.0801	0.0816	0.0794	0.0794			
11. NMK A/4295	0.2118	0.2049	0.0816	0.0868	0.0809	0.0816	0.0831	0.0809	0.0809	0.0015		
12. NMK A/4129	0.2191	0.1954	0.1132	0.1155	0.1103	0.1110	0.1125	0.1096	0.1103	0.1140	0.1154	
13. BMNH 2005.187	0.2206	0.2028	0.1066	0.1096	0.1037	0.1044	0.1059	0.1044	0.1037	0.1118	0.1132	0.0779
14. JM 966	0.2228	0.2020	0.1081	0.1096	0.1037	0.1044	0.1059	0.1044	0.1037	0.1132	0.1147	0.0779
15. BMNH 2005.215	0.2214	0.1998	0.1103	0.1118	0.1059	0.1066	0.1081	0.1066	0.1059	0.1147	0.1162	0.0772
16. BMNH 2005.214	0.2221	0.1991	0.1103	0.1118	0.1059	0.1066	0.1081	0.1066	0.1059	0.1140	0.1154	0.0750
17. BMNH 2005.216	0.2214	0.1998	0.1088	0.1103	0.1044	0.1051	0.1066	0.1051	0.1044	0.1132	0.1147	0.0757
18. BMNH 2005.996	0.2236	0.1983	0.1066	0.1081	0.1022	0.1029	0.1044	0.1029	0.1022	0.1110	0.1125	0.0772
19. KBM 003	0.2207	0.2088	0.1155	0.1170	0.1111	0.1118	0.1133	0.1118	0.1111	0.1155	0.1170	0.0890
20. BMNH 2002.959	0.2192	0.1998	0.1154	0.1170	0.1118	0.1125	0.1140	0.1125	0.1118	0.1184	0.1199	0.0721
21. BMNH 2002.928	0.2192	0.1998	0.1154	0.1170	0.1118	0.1125	0.1140	0.1125	0.1118	0.1184	0.1199	0.0721
22. BMNH 2002.932	0.2192	0.1998	0.1154	0.1170	0.1118	0.1125	0.1140	0.1125	0.1118	0.1184	0.1199	0.0721
23. MTSN 8292	0.2199	0.2006	0.1162	0.1177	0.1125	0.1132	0.1147	0.1132	0.1125	0.1191	0.1206	0.0728
24. MW 7291	0.2228	0.1983	0.1213	0.1228	0.1176	0.1184	0.1199	0.1184	0.1176	0.1199	0.1213	0.0728
25. MW 6638	0.2221	0.1991	0.1206	0.1221	0.1169	0.1176	0.1191	0.1176	0.1169	0.1191	0.1206	0.0735
26. BMNH 2005.1343	0.2095	0.2124	0.1772	0.1766	0.1750	0.1757	0.1765	0.1757	0.1750	0.1721	0.1735	0.1809
27. BMNH 2005.1358	0.2065	0.2109	0.1772	0.1766	0.1750	0.1757	0.1765	0.1757	0.1750	0.1743	0.1757	0.1816
28. BMNH 2005.1349	0.2096	0.2073	0.1802	0.1795	0.1780	0.1780	0.1795	0.1787	0.1780	0.1772	0.1787	0.1809
29. BMNH 2002.95	0.2051	0.2058	0.1816	0.1795	0.1779	0.1787	0.1794	0.1787	0.1779	0.1779	0.1794	0.1816
30. JM 150	0.2043	0.2058	0.1801	0.1780	0.1765	0.1772	0.1779	0.1772	0.1765	0.1779	0.1794	0.1801

	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24
31. BMNH 2005.1359	0.2050	0.2043	0.1816	0.1810	0.1794	0.1801	0.1809	0.1801	0.1794	0.1757	0.1772	0.1809
32. BMNH 2002.776	0.2039	0.2057	0.1818	0.1797	0.1781	0.1788	0.1796	0.1788	0.1781	0.1780	0.1795	0.1818
33. BMNH 2005.1357	0.2050	0.2043	0.1816	0.1810	0.1794	0.1801	0.1809	0.1801	0.1794	0.1757	0.1772	0.1809
34. BMNH 2005.1352	0.2087	0.2065	0.1838	0.1832	0.1816	0.1816	0.1831	0.1824	0.1816	0.1809	0.1824	0.1816

**Supporting Information Table 1 (continued).** Pairwise distances (p-distance) for 12S, 16S and *cytb* sequence data.

	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24
14 .JM 966	0.0029											
15. BMNH 2005.215	0.0066	0.0066										
16. BMNH 2005.214	0.0074	0.0074	0.0037									
17. BMNH 2005.216	0.0051	0.0051	0.0015	0.0022								
18. BMNH 2005.996	0.0059	0.0059	0.0051	0.0059	0.0037							
19. KBM 003	0.0287	0.0280	0.0294	0.0309	0.0294	0.0302						
20. BMNH 2002.959	0.0404	0.0397	0.0426	0.0434	0.0412	0.0419	0.0485					
21. BMNH 2002.928	0.0404	0.0397	0.0426	0.0434	0.0412	0.0419	0.0485	0.0000				
22. BMNH 2002.932	0.0404	0.0397	0.0426	0.0434	0.0412	0.0419	0.0485	0.0000	0.0000			
23. MTSN 8292	0.0412	0.0404	0.0434	0.0441	0.0419	0.0426	0.0493	0.0007	0.0007	0.0007		
24. MW 7291	0.0471	0.0463	0.0493	0.0500	0.0478	0.0485	0.0544	0.0125	0.0125	0.0125	0.0132	
25. MW 6638	0.0478	0.0471	0.0500	0.0507	0.0485	0.0493	0.0552	0.0132	0.0132	0.0132	0.0140	0.0007
26. BMNH 2005.1343	0.1721	0.1706	0.1735	0.1721	0.1721	0.1691	0.1773	0.1728	0.1728	0.1728	0.1735	0.1772
27. BMNH 2005.1358	0.1706	0.1691	0.1721	0.1706	0.1706	0.1676	0.1766	0.1721	0.1721	0.1721	0.1728	0.1757
28. BMNH 2005.1349	0.1706	0.1706	0.1721	0.1699	0.1706	0.1692	0.1796	0.1743	0.1743	0.1743	0.1751	0.1758
29. BMNH 2002.95	0.1750	0.1735	0.1765	0.1750	0.1750	0.1721	0.1810	0.1735	0.1735	0.1735	0.1743	0.1772
30. JM 150	0.1735	0.1721	0.1750	0.1735	0.1735	0.1721	0.1795	0.1721	0.1721	0.1721	0.1728	0.1757
31. BMNH 2005.1359	0.1706	0.1699	0.1721	0.1713	0.1706	0.1699	0.1795	0.1728	0.1728	0.1728	0.1735	0.1750
32. BMNH 2002.776	0.1744	0.1729	0.1758	0.1744	0.1744	0.1729	0.1804	0.1729	0.1729	0.1729	0.1737	0.1766
33. BMNH 2005.1357	0.1706	0.1699	0.1721	0.1713	0.1706	0.1699	0.1795	0.1728	0.1728	0.1728	0.1735	0.1750
34. BMNH 2005.1352	0.1735	0.1728	0.1750	0.1728	0.1735	0.1721	0.1810	0.1750	0.1750	0.1750	0.1757	0.1772

**Supporting Information Table 1 (continued).** Pairwise distances (p-distance) for 12S, 16S and *cytb* sequence data.

	25	26	27	28	29	30	31	32	33
26. BMNH 2005.1343	0.1765								
27. BMNH 2005.1358	0.1750	0.0118							
28. BMNH 2005.1349	0.1751	0.0302	0.0324						
29. BMNH 2002.95	0.1765	0.0206	0.0176	0.0360					
30. JM 150	0.1750	0.0191	0.0162	0.0346	0.0029				
31. BMNH 2005.1359	0.1743	0.0324	0.0301	0.0140	0.0353	0.0338			
32. BMNH 2002.776	0.1759	0.0199	0.0170	0.0355	0.0044	0.0015	0.0347		
33. BMNH 2005.1357	0.1743	0.0324	0.0301	0.0140	0.0353	0.0338	0.0000	0.0347	
34. BMNH 2005.1352	0.1765	0.0353	0.0346	0.0125	0.0353	0.0338	0.0140	0.0347	0.0140